



Inauguración



Laboratorio Computacional Para Estudios en Ecología y Evolución

El nuevo laboratorio tiene como propósito:

- (1) **Promover** el uso de métodos de computación a gran escala en estudios de ecología y evolución
- (2) **Fomentar** el uso de bases de datos públicas de biodiversidad, medio ambiente y genética
- (3) **Proveer** de recursos potentes de computación y almacenamiento de datos que superan las capacidades de laptops y ordenadores estándar de sobremesa

Ejemplos:

- Análisis con grandes cantidades de datos (cientos de GB)
- Análisis paralelo de escala media con 'R' (hasta 12 núcleos)
- Análisis y modelado de relaciones filogenéticas y de los procesos evolutivos, análisis Bayesiano, análisis de 'bootstrap'
- La bioinformática sensu lato (desde ensamblaje de genomas hasta grandes análisis automatizados de SIG/GIS)

Ven a conocer los recursos e instalaciones, conversar sobre tus intereses, y tomar un vino --- Cuándo: 10/diciembre/2014, 16:00-?
Dónde: 1.E.29 Edificio Facultad de Medicina, entrada cerca a ZTF-FCT

*Brought to you by the new research group 'Macroecology and Evolution', Departamento de Biología Vegetal y Ecología,
Peter B. Pearman, IKERBASQUE Research Professor
peter.pearman@ehu.es*